

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : DELOBEL Natacha	DELOBEL Natacha
Elevage : 49297	208 rue de Longpaon
Demandeur : DELOBEL Natacha	76160 DARNETAL
Organisation :	
Préleveur : VIGREUX Mylène (23074)	
Référence : EXT20250149	

Date de prélèvement : 06/11/2025	Date de réception : 10/11/2025
Nombre de prélèvements : 1	Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Espèce : CHAT	Race : MCO - Maine Coon
Date de naissance : 15/04/2025	Sexe : Mâle

Pyruvate Kinase Deficiency (Pkdef)

Date d'exécution : 13/11/2025

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC88147 Nom : KAEMON MARYLISS COUNTRY Puce : 900263004094378		NORMAL (+/+)

La présence de la mutation c.693+304G>A présente sur le gène PKLR est recherchée.

Cette mutation est responsable du Déficit en pyruvate kinase (PKDef) chez les chats de races : Abyssin/Somali, Bengal, Mau Egyptien, LaPerm, Maine Coon, Norvégien, Savannah, Sibérien, Singapura, Ocicat, Domestic longhair et shorthair.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 18/11/2025

Olivier Yvernogean
Technicien service Biologie Moléculaire



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : DELOBEL Natacha

Elevage : 49297

Demandeur : DELOBEL Natacha

Organisation :

Préleveur : VIGREUX Mylène (23074)

Référence : EXT20250149

DELOBEL Natacha

208 rue de Longpaon

76160 DARNETAL

Date de prélèvement : 06/11/2025

Nombre de prélèvements : 1

Espèce : CHAT

Date de naissance : 15/04/2025

Date de réception : 10/11/2025

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Race : MCO - Maine Coon

Sexe : Mâle

Cardio-Myopathie Hypertrophique (HCM-MC)

Date d'exécution : 13/11/2025

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC88147 Nom : KAEMON MARYLISS COUNTRY Puce : 900263004094378		NORMAL (+/+)

La présence de la mutation A31P présente sur le gène MyBPC3 est recherchée.

Cette mutation est responsable de la Myocardiopathie hypertrophique (HCM) chez les chats de race Maine Coon.

Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.

La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 18/11/2025

Olivier Yvernogean

Technicien service Biologie Moléculaire



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : DELOBEL Natacha

Elevage : 49297

Demandeur : DELOBEL Natacha

Organisation :

Préleveur : VIGREUX Mylène (23074)

Référence : EXT20250149

DELOBEL Natacha

208 rue de Longpaon

76160 DARNETAL

Date de prélèvement : 06/11/2025

Nombre de prélèvements : 1

Espèce : CHAT

Date de naissance : 15/04/2025

Date de réception : 10/11/2025

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Race : MCO - Maine Coon

Sexe : Mâle

Spinal Muscular Atrophy (SMA)

Date d'exécution : 13/11/2025

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC88147 Nom : KAEMON MARYLISS COUNTRY Puce : 900263004094378		NORMAL (+/+)

La présence de la mutation 140kb del (exons 4-6) présente sur le gène LIX1 est recherchée.

Cette mutation est responsable de l'atrophie musculaire spinale (SMA) chez les chats de race Maine Coon.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.

La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 18/11/2025

Olivier Yvernogean

Technicien service Biologie Moléculaire



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : DELOBEL Natacha

Elevage : 49297

Demandeur : DELOBEL Natacha

Organisation :

Préleveur : VIGREUX Mylène (23074)

Référence : EXT20250149

DELOBEL Natacha

208 rue de Longpaon

76160 DARNETAL

Date de prélèvement : 06/11/2025

Nombre de prélèvements : 1

Espèce : CHAT

Date de naissance : 15/04/2025

Date de réception : 10/11/2025

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Race : MCO - Maine Coon

Sexe : Mâle

GS ADN

Date d'exécution : 13/11/2025

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC88147 Nom : KAEMON MARYLISS COUNTRY Puce : 900263004094378		nonb/nonb

GS ADN ou Groupe Sanguin par ADN. Mutation recherchée : Insertion 18 pb / Del 53 (5'UTR) d'après Gandolfi et al. Plos One 2016
Résultat nonb/nonb : aucun allèle b détecté = groupe sanguin A ou AB. Résultat nonb/b : 1 allèle b détecté = groupe sanguin A ou AB. Résultat b/b : 2 allèles b détectés = groupe sanguin B.

Dans l'état actuel des connaissances, ce test est valable chez de nombreuses races de chats mais peut présenter des exceptions parmi les races suivantes : Angora turc, Ragdoll, Bengal, Chaussie, Savannah, Sibérien, Sphynx et European Shorthair.

Le test réalisé ne concerne que la mutation recherchée. D'autres mutations du CMAH existent. Le résultat obtenu par ce test ne présage pas des autres résultats pouvant être obtenus sur les autres mutations.

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

Fait à Loudéac, le 18/11/2025

Olivier Yvernogean

Technicien service Biologie Moléculaire

