

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : DELOBEL Natacha

Eleveage : 49297

Demandeur : DELOBEL Natacha

Organisation :

Préleveur : VIGREUX Mylène (23074)

DELOBEL Natacha

208 rue de Longpaon

76160 DARNETAL

Date de prélèvement : 29/04/2026

Nombre de prélèvements : 1

Espèce : CHAT

Date de naissance : 04/01/2026

Date de réception : 06/05/2026

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Race : MCO - Maine Coon

Sexe : Femelle

Cardio-Myopathie Hypertrophique (HCM-MC)

Date d'exécution : 11/05/2026

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC92135 Nom : BRASKA DES DERNIERS VIKINGS Puce : 250269592564059		NORMAL (+/+)

La présence de la mutation A31P présente sur le gène MyBPC3 est recherchée.

Cette mutation est responsable de la Myocardiopathie hypertrophique (HCM) chez les chats de race Maine Coon.

Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante : Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.

La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 13/05/2026

Olivier Yvernogeu

Technicien service Biologie Moléculaire



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : DELOBEL Natacha

Elevage : 49297

Demandeur : DELOBEL Natacha

Organisation :

Préleveur : VIGREUX Mylène (23074)

DELOBEL Natacha

208 rue de Longpaon

76160 DARNETAL

Date de prélèvement : 29/04/2026

Nombre de prélèvements : 1

Espèce : CHAT

Date de naissance : 04/01/2026

Date de réception : 06/05/2026

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Race : MCO - Maine Coon

Sexe : Femelle

Spinal Muscular Atrophy (SMA)

Date d'exécution : 11/05/2026

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC92135 Nom : BRASKA DES DERNIERS VIKINGS Puce : 250269592564059		NORMAL (+/+)

La présence de la mutation 140kb del (exons 4-6) présente sur le gène LIX1 est recherchée.

Cette mutation est responsable de l'atrophie musculaire spinale (SMA) chez les chats de race Maine Coon.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive : Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé
photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 13/05/2026

Olivier Yvernogean

Technicien service Biologie Moléculaire



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : DELOBEL Natacha	DELOBEL Natacha
Elevage : 49297	208 rue de Longpaon
Demandeur : DELOBEL Natacha	
Organisation :	76160 DARNETAL
Préleveur : VIGREUX Mylène (23074)	

Date de prélèvement : 29/04/2026	Date de réception : 06/05/2026
Nombre de prélèvements : 1	Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Espèce : CHAT	Race : MCO - Maine Coon
Date de naissance : 04/01/2026	Sexe : Femelle

Groupe Sanguin par ADN

Date d'exécution : 11/05/2026

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC92135 Nom : BRASKA DES DERNIERS VIKINGS Puce : 250269592564059		N/N (c.179 : N/N, c.268 : N/N, c.364 : N/N, c.1322 : N/N, ins18pb : N/N)

Chez les chats domestiques, le système de groupes sanguins comprend trois types, A, B et C (généralement appelés AB) qui sont déterminés par l'activité d'une enzyme codée par le CMAH. Plusieurs variants permettent de détecter la présence des allèles b ou c, d'après Kehl et al. (2018), Molecular characterization of blood type A, B, and C (AB) in domestic cats and a CMAH genotyping scheme.

Dans l'état actuel des connaissances, ce test est valable chez de nombreuses races de chats domestiques mais peut présenter des exceptions dans la détection de l'allèle b parmi certaines races.

Le test réalisé ne concerne que les mutations recherchées. D'autres mutations du CMAH existent. Il est possible que le génotypage ne corresponde pas au sérotypage dans moins de 5 % des cas. Le résultat obtenu par ce test ne présage pas des autres résultats pouvant être obtenus sur les autres mutations.

Le génotype obtenu ne tient compte que des mutations c.179; c.268; c.364 et c.1322. En présence d'une copie de plusieurs de ces allèles (plusieurs hétérozygotes) nous vous conseillons la réalisation d'une sérologie afin de confirmer le génotype.

N/N : Animal homozygote non porteur de l'allèle b - groupe A ou AB

N/b : Animal hétérozygote porteur de l'allèle b - groupe A ou AB

b/b : Animal homozygote porteur de 2 copies de l'allèle b - groupe B

N/c : Animal hétérozygote porteur de l'allèle c - groupe A porteur C (Ragdoll)

c/b : Animal de groupe AB (Ragdoll) porteur de l'allèle b - groupe C porteur B

c/c : Animal de groupe AB (Ragdoll) - groupe C

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 13/05/2026

Olivier Yvernogean
Technicien service Biologie Moléculaire



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : DELOBEL Natacha

Élevage : 49297

Demandeur : DELOBEL Natacha

Organisation :

Préleveur : VIGREUX Mylène (23074)

DELOBEL Natacha

208 rue de Longpaon

76160 DARNETAL

Date de prélèvement : 29/04/2026

Nombre de prélèvements : 1

Espèce : CHAT

Date de naissance : 04/01/2026

Date de réception : 06/05/2026

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Race : MCO - Maine Coon

Sexe : Femelle

Pyruvate Kinase Deficiency (Pkdef)

Date d'exécution : 11/05/2026

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC92135 Nom : BRASKA DES DERNIERS VIKINGS Puce : 250269592564059		NORMAL (+/+)

La présence de la mutation c.693+304G>A présente sur le gène PKLR est recherchée.

Cette mutation est responsable du Déficit en pyruvate kinase (PKDef) chez les chats de races : Abyssin/Somali, Bengal, Mau Egyptien, LaPerm, Maine Coon, Norvégien, Savannah, Sibérien, Singapura, Ocicat, Domestic longhair et shorthair.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive : Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 13/05/2026

Olivier Yernogean

Technicien service Biologie Moléculaire

